

亨廷顿舞蹈病的临床特征及基因分析

张超^{1,2}, 田沃土², 詹飞霞², 朱泽宇², 曹茜³, 曹立^{2,3}

1. 安徽理工大学医学院, 安徽省淮南市 232001

2. 上海交通大学医学院附属瑞金医院神经内科, 上海市 200025

3. 上海浦东风信子亨廷顿舞蹈病关爱中心, 上海市 200001

摘要:目的 研究亨廷顿舞蹈病(HD)患者的临床特征和遗传学特点,并探讨基因型和临床表型相关性。方法 收集45个亨廷顿舞蹈病家系临床资料,并采用简易精神状态评价量表(MMSE)对HD患者及其家系成员的精神状态进行评分。使用聚合酶链式反应(PCR)扩增HTT基因1号外显子,再进行毛细管电泳片段分析。对取得的数据进行处理和分析。结果 HTT基因检测阳性[(CAG)_n拷贝数大于39次]共56人,其中35人已发病,21人为症状前患者。患者平均发病年龄(39.34±10.93)岁。首发症状均为舞蹈样动作,部分患者伴有精神行为异常、认知功能障碍的组合形式同时出现。认知功能评估在不同病程组比较差异有统计学意义($P<0.05$)。发病年龄和HTT基因CAG病理拷贝数呈负相关($r=-0.769$, $P=0.000$)。结论 HD是一种具有高度临床异质性和遗传异质性的神经变性疾病。发病年龄越早HTT基因CAG病理拷贝数越高,反之越低。患者认知功能与病程密切相关,病程越长,认知功能障碍越易产生。精神行为异常最常见的表现为易激惹。

关键词:亨廷顿舞蹈病;HTT基因;CAG重复拷贝数

DOI:10.16636/j.cnki.jinn.2018.05.005

Clinical and genetic features of Huntington's disease

ZHANG Chao, TIAN Wo-Tu, ZHAN Fei-Xia, ZHU Ze-Yu, CAO Xi, CAO Li. School of Medicine, Anhui University of Science and Technology, Huinan, Anhui 232001, China

Corresponding author: CAO Li, E-mail: caoli2000@yeah.net

Abstract: Objective To investigate the clinical and genetic features of patients with Huntington's disease (HD) and the association between genotype and clinical phenotype. **Methods** Related clinical data were collected from 45 families with HD, and the Mini-mental State Examination (MMSE) was used to determine the scores of mental state of HD patients and their family members. PCR was used to amplify exon 1 of the HTT gene and then capillary electrophoresis was used for fragment analysis. The data obtained were analyzed. **Results** A total of 56 individuals were found to have positive HTT gene (CAG repeats >39 times), among whom 35 had already developed HD and 21 were in the presymptomatic state. The mean age of onset was 39.34±10.93 years. The initial symptom was involuntary dance-like movements in all patients, and some patients also had mental and behavioral disorders and cognitive impairment. There was a significant difference in cognitive function assessment between the groups of patients with different durations of disease ($P<0.05$). Age of onset was negatively correlated with the number of CAG repeats in the HTT gene ($r=-0.769$, $P=0.000$).

Conclusions HD is a neurodegenerative disease with high clinical and genetic heterogeneity. Age of onset is negatively correlated with the number of CAG repeats in the HTT gene. The patient's cognitive function is closely associated with the course of the disease. Patients with a longer course of disease are more likely to develop cognitive impairment. Irritability is the most common mental and behavioral disorder.

基金项目:国家自然科学基金(81571086);上海市教育委员会高峰高原学科建设计划(20161401);上海交通大学多学科交叉项目培育(医工)(YG2016MS64)

收稿日期:2018-06-13; **修回日期:**2018-09-14

作者简介:张超(1993-),男,硕士研究生在读,主要从事神经遗传学疾病的研究。E-mail:zhangchao@rjlab.cn。

通信作者:曹立(1974-),男,副主任医师,博士,主要从事神经退行性疾病、神经遗传病、神经肌肉病和发作性运动障碍的研究。E-mail:caoli2000@yeah.net。

Key words: Huntington's disease; HTT gene; number of CAG repeats

亨廷顿舞蹈病(Huntington's disease, HD)是一种罕见的常染色体显性遗传性神经退行性疾病,症状复杂多变,以慢性进行性舞蹈样动作、认知功能障碍和精神行为异常为主要临床特征,一般中年期发病,平均发病年龄为35~44岁,病情进行性恶化,常在发病15~18年后死亡^[1]。中年期发病者主要以全身舞蹈样动作为主,逐渐出现痴呆和精神障碍;儿童和青少年期发病者多以肌张力障碍为主,常伴癫痫和共济失调^[1,2]。神经影像学特征为大脑皮质和双侧尾状核萎缩,伴有脑室扩大^[3]。亨廷顿舞蹈病由亨廷顿蛋白基因(huntingtin, HTT,又称IT15)突变所致,HTT基因定位于4p16.3,编码HTT蛋白(huntingtin protein),其1号外显子内存在高度多态的胞嘧啶-腺嘌呤-鸟嘌呤(CAG)重复序列,CAG异常扩增是导致亨廷顿舞蹈病发生的原因^[1,4]。正常人群的HTT基因(CAG)n拷贝数为11~35次,平均为19次;CAG重复扩增数小于26为正常等位基因;重复扩增数在27~35范围内的个体没有发展亨廷顿舞蹈病症状的风险,也被描述为“可变正常等位基因”,但由于CAG区不稳定,会增加子代患病的风险^[5,6]。重复扩增数36~39内的个体存在发病的风险,可能不会出现症状^[1]。重复扩增数在大于39次为全突变,肯定发病。

1 对象与方法

1.1 研究对象

研究对象来自上海交通大学医学院附属瑞金医院神经内科以及上海浦东风信子亨廷顿舞蹈病关爱中心的亨廷顿舞蹈病患者及其家系成员,包括45个家系的72名家族成员。本研究已取得患者及家系成员知情同意,并签署知情同意书。

1.2 研究方法

根据亨廷顿舞蹈病临床诊断标准:典型HD的家族史;非其他因素导致的进行性运动异常伴舞蹈和僵直;非其他因素导致的精神障碍伴随进行性痴呆^[7],共收集45个家系的先证者及家系成员共72人临床资料,并采用简易精神状态评价量表(mini-mental state examination, MMSE)对HD患者及其家系成员的精神状态进行评分。采集外周静脉血6 ml,并采用标准的酚-氯仿方法提取外周血DNA。聚合酶链式反应(Polymerase Chain Reaction, PCR)扩增HTT基因1号外显子,再进行毛细管电泳片

段分析。

1.3 PCR扩增及毛细管电泳片段分析

根据HTT基因的1号外显子序列,在primer 3.0网站设计两端引物。经荧光标记正反引物由铂尚生物技术(上海)有限公司合成。正向引物序列(HTT-F):5'-GGCGGCTGAGGAAGCTGAGGA-3';反向引物序列(HTT-R):5'-ATGGCGAC-CCTGGAAAAGCTGATGAA-3'。

PCR反应体系:总体积20 μl,依次加入ddH₂O 3.12 μl,2×GC Buffer 10 μl,dNTP 2.4 μl,样本DNA 2 μl(DNA样本稀释定量至100 ng/μl),Hot-Star Taq(Takara) 0.2 μl,正反引物(1 μm)各1 μl,MgCl₂(25 mm) 0.4 μl。反应条件为95℃预变性2 min,95℃ 20 s、72℃ 40 s和68℃ 2 min,循环11次;94℃ 20 s、66℃ 30 s、68℃ 2 min,循环28次;60℃ 60 min,温度降至4℃停止。将加荧光后的多重PCR产物稀释5倍后取1 μl加入8.9 μl高度去离子甲酰胺,以0.1 μl LIZ500片段作为标准内标,混匀后95℃ 5 min变性后上ABI 3700核酸测序仪进行荧光毛细管电泳。

1.4 统计学方法

使用SAS 8.1软件进行数据处理和分析,对符合正态分布的计量资料以均数±标准差($\bar{x} \pm s$)表示。组间比较采用Fisher确切概率计算法($n < 50$)分析;对发病年龄和病理重复拷贝数进行线性回归分析,以 $P < 0.05$ 为差异具有统计学意义。

2 结果

2.1 临床资料特征

共入组45个亨廷顿舞蹈病家系,先证者及家系成员共72人,分布于全国20个省市。HTT基因检测阳性[(CAG)n拷贝数大于39次]共56人,男性32人,女性24人,遗传规律符合常染色体显性遗传。其中35人已发病,21人目前暂未发病,无临床症状,为症状前患者。35例患者发病年龄14~67岁,平均发病年龄为(39.34±10.93)岁;病程范围3个月~19年,平均病程(4.89±4.08)年。其中青少年期发病患者1人,14岁发病。其余34名患者均在青少年期以后发病。见表1。

2.2 临床表现特点

已发病的35名患者中,临床表现各异,存在一定的临床异质性。首发症状均为舞蹈样动作,部分

患者伴有精神行为异常、认知功能障碍的组合形式同时出现。35 名患者临床表现为舞蹈样动作(35 人,100%)、精神行为异常(17 人,48.57%)、认知功能障碍(11 人,31.42%)、构音障碍(9 人,25.71%)、吞咽困难(4 人,11.43%)、肌张力障碍(1 人,2.86%)、视力下降(1 人,2.86%)和排尿障碍(1 人,2.86%)。21 名患者舞蹈样由头面部(包括头部摇晃、眨眼、口周及唇抽动)最先被家属察觉,之后逐渐发展至四肢及躯干,其余 14 名患者舞蹈样动作由四肢及躯干开始。认知功能障碍表现为记忆力下降和智能减退。精神行为异常主要表现为性格改变、易激惹、妄想和定向力障碍。见表 1。

表 1 HD 患者临床资料及临床表现特点 [n(%); $\bar{x}\pm s$]		
项目	已发病(n=35)	尚未发病(n=21)
性别(男/女)	19/16	13/8
就诊年龄(岁)	44.23 \pm 12.24	23.32 \pm 9.48
发病年龄(岁)	39.34 \pm 10.93	—
病程(年)	4.89 \pm 4.09	—
临床表现		
舞蹈样动作	35(100)	—
精神行为异常	17(48.57)	—
认知功能障碍	11(31.42)	—
构音障碍	9(25.71)	—
吞咽困难	4(11.43)	—
肌张力障碍	1(2.86)	—
视力下降	1(2.86)	—
排尿障碍	1(2.86)	—
MMSE 评分(分)	23.32 \pm 4.94	—
CAG 重复次数(次)	45.06 \pm 5.37	43.95 \pm 3.9

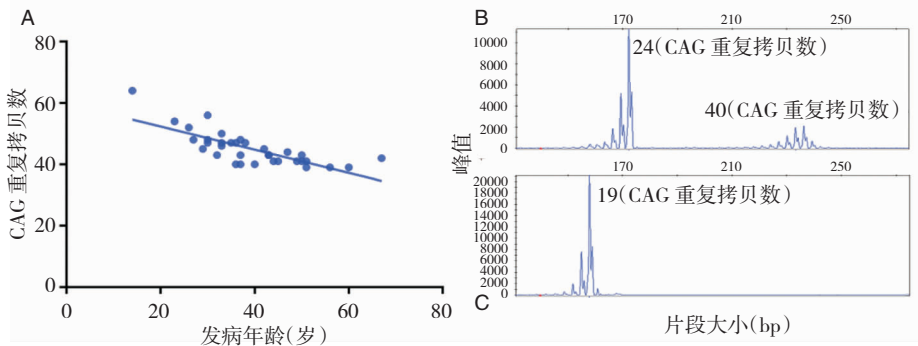


图 1 HD 患者的遗传学特征

注:A:HD 患者发病年龄和 CAG 重复拷贝数散点图;B:HD 患者毛细管电泳图;C:正常人毛细管电泳图

3 讨论

HD 是一种罕见的常染色体显性遗传性神经变性疾病,HTT 基因 CAG 三核苷酸重复扩增引起特

2.3 认知功能评估

经 MMSE 量表评估患者共 22 人。评分标准:凡评分低于以下范围者视为认知功能损害,即文盲 ≤ 17 分、小学 ≤ 20 分、初中及以上 ≤ 24 ^[8],受试者文化程度均为初中及以上。MMSE 得分最低 8 分,最高 29 分,平均(23.32 \pm 4.94)分。11 人存在一定程度认知功能障碍(MMSE 评分 < 24 分)。将受评估患者根据平均病程(5.59 年)分成 2 组。2 组患者均在成年期起病,年龄 30~60 岁,男女比为 1.2:1,就诊前均未确诊,无其他基础疾病,未行相关治疗,一般情况正常。病程 < 5 年患者 10 人,MMSE 评分 < 24 分患者 2 人;病程 > 5 年患者 12 人,评分 < 24 分患者 9 人。组间比较采用 Fisher 确切概率算法($n < 50$),MMSE 评分 < 24 分人数频率在不同病程组比较差异有统计学意义($P < 0.05$),提示病程 > 5 年的患者较病程 < 5 年的患者更易出现认知功能障碍。

2.4 遗传学特征

对 72 个样本进行毛细管电泳的片段分析。结果发现共有 16 种 CAG 病理拷贝等位基因,最小为 39 次,最大为 64 次,平均(44.64 \pm 4.87)次;病理拷贝数 41 次最为常见,有 15 例,占病理重复等位基因的 20.83%。将所有 HD 患者的发病年龄与 HTT 基因 CAG 病理拷贝数进行线性回归分析,发现两者之间呈负相关($r = -0.769$, $P = 0.000$)。见图 1。

异性基底节及大脑皮质神经元退行性病变^[9],核心症状为慢性进行性舞蹈样动作、认知功能障碍和精神行为异常,部分患者还存在吞咽困难、肌张力障

碍、构音障碍和共济失调等^[1, 10]。全世界范围内 HD 总体患病率为 2.1/10 万, 亚洲患病率较低, 为 0.4/10 万; 欧美地区明显高于亚洲, 为 5.70/10 万^[11]。不同民族疾病患病率的差异与 HTT 基因的遗传差异有关。高患病率地区正常人群平均 CAG 重复次数较长, 欧洲正常人群平均值为 18.4 ~ 18.7 次, 而亚洲正常人群的平均值为 16.9 ~ 17.4 次^[9]。

既往研究对出现运动症状的首发部位尚无明确总结。本研究 60% 患者舞蹈样动作由头面部 (包括头部摇晃、眨眼、口周及唇抽动) 最先被家属察觉, 之后逐渐发展至四肢及躯干; 40% 患者舞蹈样动作由四肢及躯干开始。以头面部不自主动作为首发症状的 HD 不易察觉, 常被忽视。值得注意的是以口周不自主动作伴有咬唇、流涎为首发症状的舞蹈病需与神经棘红细胞增多症等鉴别^[12]。舞蹈样动作作为 HD 核心症状, 对诊断具有重要的意义。对存在舞蹈样动作且 HTT 基因检测阴性的患者, 应考虑其他类亨廷顿舞蹈病的鉴别诊断, 包括类亨廷顿舞蹈病 1 型 (Huntington disease-like 1, HDL1)、类亨廷顿舞蹈病 2 型 (Huntington disease-like 2, HDL2)、类亨廷顿舞蹈病 3 型 (Huntington disease-like 3, HDL3)、类亨廷顿舞蹈病 4 型 (Huntington disease-like 4, HDL4)、肝豆状核变性、神经棘红细胞增多症、齿状核苍白球萎缩、泛酸激酶相关性神经变性病、神经铁蛋白病、脊髓小脑性共济失调 (1 型、2 型和 3 型)、弗里德赖希型共济失调、线粒体疾病和血浆铜蓝蛋白缺乏症等遗传性疾病^[13]。除遗传因素引起的舞蹈样动作, 一些非遗传因素导致舞蹈样动作的疾病也需与其鉴别, 非遗传因素包括感染、免疫、创伤、药物、电解质失衡、肝肾器官衰竭、心脏术后和乳糜泻等^[13]。非遗传因素可通过家族史是否符合常染色显性遗传规律鉴别。

认知功能障碍作为除舞蹈样动作外第二大核心症状, 对 HD 诊断亦具有重要意义, 认知功能障碍常早于运动症状之前发生, 其主要特点为注意力不集中、认知减慢、解决问题的能力下降和视空间障碍^[13, 14]。已发病患者中有 11 人存在认知功能障碍, 以注意力不集中和记忆力下降为主要表现。通过认知功能评估, 发现认知障碍和病程密切相关, 具有长病程的患者, 认知功能障碍比例越高。

精神行为异常为 HD 常见症状之一, 一定程度

上易被忽视。以往一项对 HD 患者行为学随访调查显示行为学异常主要表现为抑郁 (>55%)、淡漠 (30%) 和易激惹 (10%), 症状随着 HD 病程进展而加重^[15]。本组研究出现精神行为学异常的人数占发病人数的 48.5%, 仅次于舞蹈样动作。精神行为改变主要表现为易燥、易怒和易激惹 (50%)、抑郁 (20%), 淡漠不常见。2 名男性患者存在精神分裂症, 表现为被害妄想和幻听。其中一名患者精神症状和运动症状几乎同时出现, 该患者病程 1 年; 另一名患者病程 8 年, 精神症状晚于运动症状出现。综合国内外的研究发现, 精神行为异常在不同的患者中具有一定的异质性。

患者中 1 人为青少年 HD, 14 岁起病, CAG 重复拷贝数为 64 次, 64 次为本研究最高病理拷贝次数。临床仅表现为舞蹈样动作, 未出现其他临床表现, 可能与病程较短 (2 年) 有关, 需长期随访观察。

HD 目前缺乏有效的治疗方法, 具有明显的致残性, 严重影响患者的生活质量, 在疾病后期运动和认知能力逐渐丧失, 需依赖长期护理。对于运动症状, 常用的药物包括盐酸硫必利和丁苯那嗪等, 可一定程度改善运动症状; 对于精神症状, 常用药物包括 5-羟色胺再摄取阻滞剂 (包括氟西汀、帕罗西汀、舍曲林和西酞普兰) 和神经阻滞剂 (金刚烷胺、溴隐亭和安非他酮)^[16]。2017 年 Ionis Pharmaceuticals 公司报道首个能够降低致病蛋白的新型药物 IONIS-HTT Rx (RG6042), 其安全性和耐受性得到验证, 但治疗效果仍需进一步在临床应用中得以认证^[17]。深部脑部刺激 (DBS) 作为一种新型外科治疗方式, 对 HD 核心运动症状具有一定的改善作用^[18, 19]。

HD 作为一种罕见的遗传性神经变性疾病, 国内尚缺大样本的临床性研究。对 56 例基因检测阳性患者的临床特点和基因型研究发现, 发病年龄越早, HTT 基因 CAG 病理拷贝数越高, 反之越低; 患者认知功能与病程密切相关, 病程越长, 认知功能障碍越易产生。精神行为学改变具有一定的异质性, 易激惹为最常见表现。目前对于 HD 患者长期护理具有重要意义。HD 是 DBS 的手术指征之一, 但是 DBS 只与改善运动障碍有关。降低致病蛋白的新型药物 IONIS-HTT Rx (RG6042) 仍需进一步在临床应用中得以认证。

参 考 文 献

- [1] Warby SC, Graham RK, Hayden MR. Huntington Disease [M]. In: Pagon RA, Adam MP, Ardinger HH, et al, editors. GeneReviews (R). Seattle (WA), 1993.
- [2] Tarolli CG, Chesire AM, Biglan KM. Palliative Care in Huntington Disease: Personal Reflections and a Review of the Literature [J]. Tremor Other Hyperkinet Mov (N Y), 2017, 7: 454.
- [3] Roos RA. Huntington's disease: a clinical review [J]. Orphanet J Rare Dis, 2010, 5: 40.
- [4] Apolinario TA, Paiva CL, Agostinho LA. REVIEW-ARTICLE Intermediate alleles of Huntington's disease HTT gene in different populations worldwide: a systematic review [J]. Genet Mol Res, 2017, 16(2).
- [5] Potter NT, Spector EB, Prior TW. Technical standards and guidelines for Huntington disease testing [J]. Genet Med, 2004, 6(1): 61-65.
- [6] Semaka A, Hayden MR. Evidence-based genetic counselling implications for Huntington disease intermediate allele predictive test results [J]. Clin Genet, 2014, 85(4): 303-311.
- [7] 中华医学会神经病学分会帕金森病及运动障碍学组. 亨廷顿病的诊断与治疗指南 [J]. 中华神经科杂志, 2011, 44(9): 638-641.
- [8] 汤海艳, 王军, 魏其林, 等. MoCA 和 MMSE 评估老年帕金森病患者认知障碍的分析 [J]. 中风与神经疾病杂志, 2013, 30(8): 719-723.
- [9] McColgan P, Tabrizi SJ. Huntington's disease: a clinical review [J]. Eur J Neurol, 2018, 25(1): 24-34.
- [10] Smith MA, Brandt J, Shadmehr R. Motor disorder in Huntington's disease begins as a dysfunction in error feedback control [J]. Nature, 2000, 403(6769): 544-549.
- [11] Pringsheim T, Wiltshire K, Day L, et al. The incidence and prevalence of Huntington's disease: a systematic review and meta-analysis [J]. Mov Disord, 2012, 27(9): 1083-1091.
- [12] Walker RH. Management of Neuroacanthocytosis Syndromes [J]. Tremor Other Hyperkinet Mov (N Y), 2015, 5: 346.
- [13] Malek N, Newman EJ. Hereditary chorea - what else to consider when the Huntington's disease genetics test is negative? [J]. Acta Neurol Scand, 2017, 135(1): 25-33.
- [14] Papoutsis M, Labuschagne I, Tabrizi SJ, et al. The cognitive burden in Huntington's disease: pathology, phenotype, and mechanisms of compensation [J]. Mov Disord, 2014, 29(5): 673-683.
- [15] Tabrizi SJ, Scapill RI, Owen G, et al. Predictors of phenotypic progression and disease onset in premanifest and early-stage Huntington's disease in the TRACK-HD study: analysis of 36-month observational data [J]. Lancet Neurol, 2013, 12(7): 637-649.
- [16] Eddy CM, Parkinson EG, Rickards HE. Changes in mental state and behaviour in Huntington's disease [J]. Lancet Psychiatry, 2016, 3(11): 1079-1086.
- [17] van Roon-Mom WMC, Roos RAC, de Bot ST. Dose-Dependent Lowering of Mutant Huntingtin Using Antisense Oligonucleotides in Huntington Disease Patients [J]. Nucleic Acid Ther, 2018, 28(2): 59-62.
- [18] Wojtecki L, Groiss SJ, Hartmann CJ, et al. Deep Brain Stimulation in Huntington's Disease-Preliminary Evidence on Pathophysiology, Efficacy and Safety [J]. Brain Sci, 2016, 6(3): 38.
- [19] 黄星星, 韩彦青, 马久红, 等. 脑深部电刺激治疗对帕金森病患者认知功能、抑郁和焦虑的影响 [J]. 国际神经病学神经外科学杂志, 2018, 45(3): 261-265.